

Niniejsze ogłoszenie w witrynie TED: <http://ted.europa.eu/udl?uri=TED:NOTICE:304455-2014:TEXT:PL:HTML>

**Polska-Warszawa: Aparatura do analizowania
2014/S 172-304455**

**Międzynarodowy Instytut Biologii Molekularnej i Komórkowej w Warszawie,
Ks. Trojdena 4, Osoba do kontaktów: Agnieszka Karbowska, Warszawa02-109,
POLSKA. Tel.: +48 225970700. Faks: +48 225970715. E-mail: przetargi@iimcb.gov.pl**

(Suplement do Dziennika Urzędowego Unii Europejskiej, 19.8.2014, 2014/S 157-282381)

Przedmiot zamówienia:

CPV:38432000

Aparatura do analizowania

Zamiast:

VI.3) Informacje dodatkowe:

W celu potwierdzenia, że oferowany przedmiot zamówienia odpowiada wymaganiom określonym przez Zamawiającego, do ofert należy dołączyć:

- 1) Dokumentacja techniczna producenta oferowanego sprzętu (oryginalny katalog), potwierdzająca wymagania (parametry techniczne) Zamawiającego zawarte w załączniku nr 2 do SIWZ. Zamawiający dopuszcza wydruki ze stron internetowych producenta lub dystrybutora.
- 2) Dokument autoryzacji serwisu wystawiony przez producenta sprzętu lub oświadczenie producenta, że sprzęt będzie serwisowany bezpośrednio przez producenta.

Powinno być:

VI.3) Informacje dodatkowe:

W celu potwierdzenia, że oferowany przedmiot zamówienia odpowiada wymaganiom określonym przez Zamawiającego, do ofert należy dołączyć:

- 1) Dokumentacja techniczna producenta, dystrybutora oferowanego sprzętu (oryginalny katalog), potwierdzająca wymagania (parametry techniczne) Zamawiającego zawarte w załączniku nr 2 do SIWZ. Zamawiający dopuszcza wydruki ze stron internetowych producenta, dystrybutora lub oświadczenie Wykonawcy dotyczące spełniania wymagań (parametrów) w odniesieniu do urządzeń pomocniczych.
- 2) Dokument autoryzacji dla firmy serwisującej urządzenia główne platformy sekwencjonowania DNA, wystawiony przez producenta sprzętu lub oświadczenie producenta, że sprzęt (urządzenia główne) będą serwisowane bezpośrednio przez producenta. Jako urządzenia główne Zamawiający rozumie sekwencjatory bez urządzeń pomocniczych, tj: urządzeń służących do: pomiaru DNA i RNA, tworzenia bibliotek, frakcjonowania DNA w technologii elektroforezy uzupełniających, systemu komputerowego, oprogramowania i zestawu odczytników.